# Bilan 2024 des saisies dans le réseau HELICOnet : une première vision de l'épidémiologie récente en France

Blanchot Thomas, Brustel Antoine, Chaufour Laura, Cheron Mireille, Corvec Stéphane, De Briel Dominique, Delaval Anne, Dortet Laurent, Duployer Claire, Emeraud Cecile, Ferroni Agnès, Floch Pauline, François Arnaud, Gallois Emmanuelle, Garnier Fabien, Georgel Anne France, Gibaud Sophie Anne, Guérin François, Guyot Caroline, Hervo Marie, Holstein Anne, Lafeuille Emilie, Lemaire Coralie, Paluch Maxime, Pichon Maxime, Ponderand Léa, Potron Anaïs, Ranc Anne Gaelle, Schramm Fréderic, Sire Jean Marie, Soares Anaïs, Teissier Guillaume, Trombert Sabine, Vuillemin Xavier, Lehours Philippe.









partie de l'image avec l'ID relation rld2 n'a pas été puvé dans le fichier.

## Site de saisie on-line intégrée au site internet du CNR

- → Plateforme de saisie on-line
  - > login et MP personnalisés
  - respect RGPD

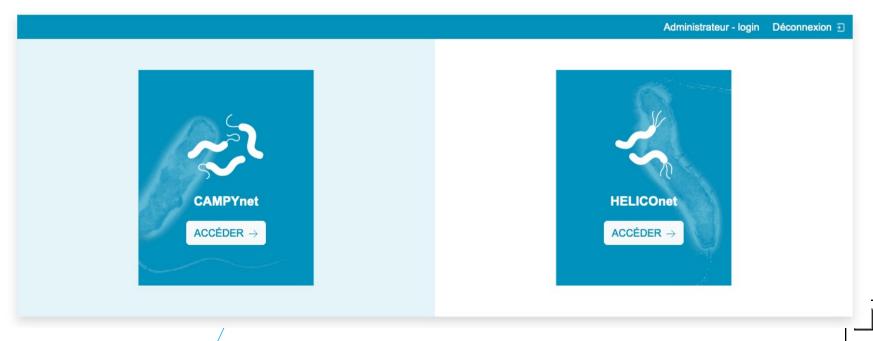
## mediacrossing:











## Résumé des principales informations demandées

#### → Données patients

- anonymisées
- àge, sexe, code postal, pays de naissance
- > nature de la ou les biopsies

### → Données cliniques

- > diagnostic
- > traitement d'eradication antérieur

### → Données microbiologiques

- > PCR, cutlure
- kits de PCR, géloses (culture et antibiogrammes)
- antibiogramme (S/R/ZIT, CMI)

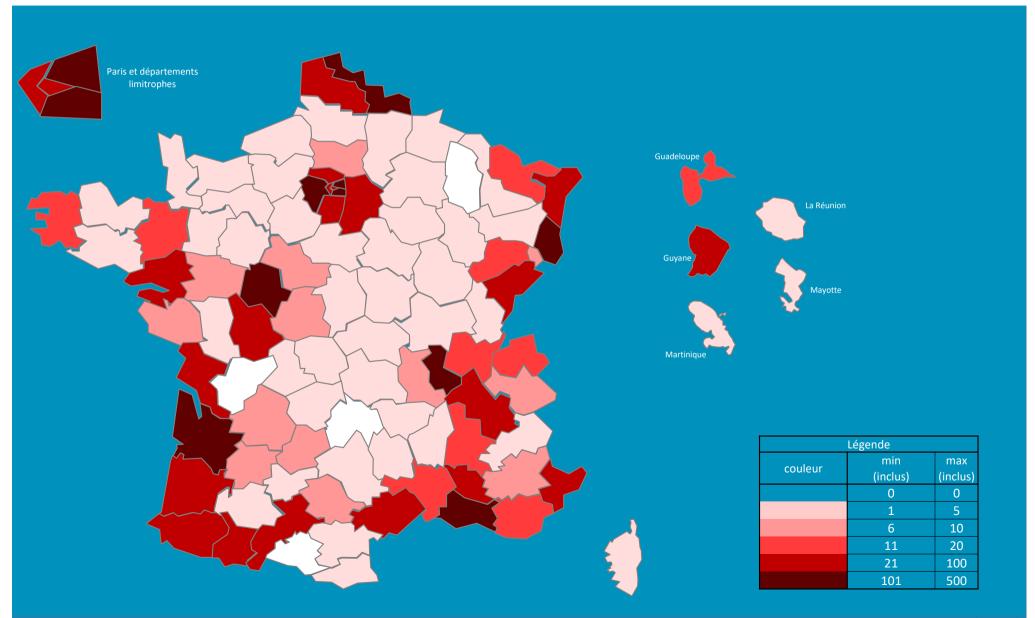


# Laboratoires actifs depuis janvier 2024

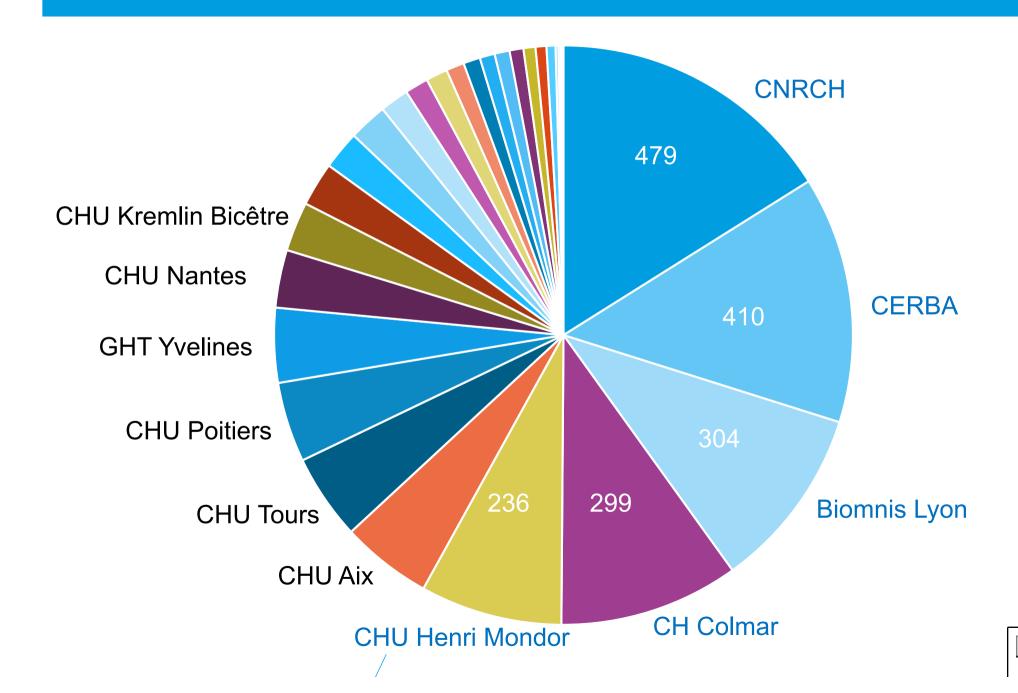
- → Laboratoires participants (n=29)
  - > 19 CHU
  - > 5 CH
  - > 5 LABM
- → Nombre de dossiers totaux (n=2977)
  - > 61,8% avec renseignements sur les traitements d'éradication
  - données CNRCH 2024 pas encore totalement analysées



# Répartition des 2977 cas

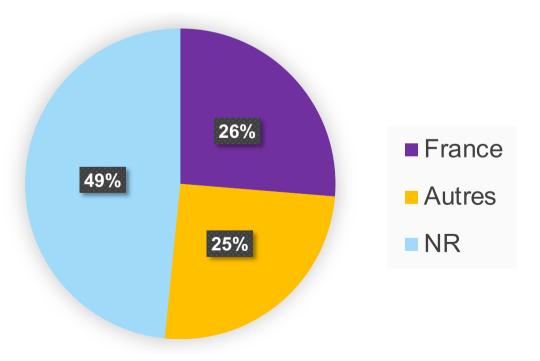


# Répartition par correspondants



## Bilan des données patients saisies

- → Caractéristiques des patients
  - age moyen 46 ans +/- 20
  - $\rightarrow$  sex ratio = 0,93
- → Origine géographique des patients (données CNRCH exclues)
  - > 2498 dossiers





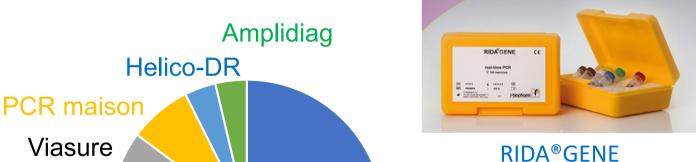
## Approches méthodologiques-1

- → Utilisation de la PCR ou culture
  - > PCR réalisée dans 23 des 29 laboratoires (79,3%)
  - 2 laboratoires ne réalisent que la PCR
  - > 6 laboratoires ne réalisent que la culture

Allplex

→ Format de PCR utilisé





Seegene



Allplex™ H. pylori & ClariR Assay

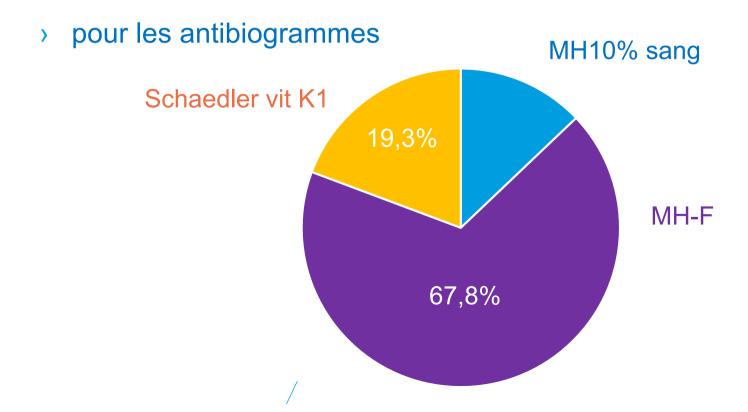
Helicobacter pylori
Rida®Gene



# Approches méthodologiques-2

#### → Géloses utilisées

pour la culture : 85,7% gélose Pylo Biomérieux, 7,1% gélose BD,
 7,1% milieu maison





# Analyse des données de PCR

- → Evaluation de la résistance aux macrolides
  - > 1410 données de PCR pour des patients avec notion de traitement connu

	Naïf n=1071	Echec n=339
WT	891	173
Mutation ou double population	180	166
%Clari-R	16,81%	48,97%



## Résistances primaires et secondaires-2024

→ Evaluation de la résistance aux antibiotiques selon les antibiogrammes

	Naïf	Echec
Clarithromycine	24% (152/633)	49% (323/660)
Lévofloxacine	17,8% (100/562)	22,1% (145/655)
Métronidazole	53,3% (72/135)	71,9% (87/121)
Amoxicilline	0% (0/184)	0,4% (1/249)
Tétracycline	0% (0/485)	0,2% (1/527)
Rifampicine	0,7% (3/418)	0,5% (3/550)

119/1083 doubles-R CLA-LEV (11%) dont 81 patients en échec (68,1%)

EEQ validé par tous les participants



# Concordance PCR-antibiogramme pour la Clarithromycine

#### → Excellente concordance

	No.	S	R
WT	1022	1013	9*
Mutation	422	6*	416
Double population	39	14	25

Discordance majeure\* 1,03%



# Résistances primaires Clarithromycine-Comparatif

	Tous	France	Autres
Antibiogramme	24% (152/633)	24,5% (66/269)	22,5% (55/244)
PCR	Tous		
	16,81% (180/1071)		



# Résistances primaires Clarithromycine-Comparatif

	Tous	France	Autres
Antibiogramme	24%	24,5%	22,5%
	(152/633)	(66/269)	(55/244)
PCR	Tous	France	Autres
	16,81%	20,7%	16,1%
	(180/1071)	(75/362)	(61/379)



## Place de la culture versus PCR chez les patients naïfs de traitement

Résultat PCR (n=1008)	Culture	
	Oui	Non
169 mutations	163	6
839 WT	469	370*

\*95,2% sur 3 laboratoires (CERBA n=253, GHT Yvelines n=54, CHU Nantes n= 45)



## Place de la culture versus PCR chez les patients naïfs de traitement

### Avec pays de naissance renseigné

Résultat PCR (n=741)	Culture	
	Oui	Non
136 mutations	130	6
605 WT	469	194*\$

\*92,3% sur 3 laboratoires (CERBA n=117, GHT Yvelines n=23, CHU Nantes n= 39)

\$CERBA 67,7% de patients nés à l'étranger



#### Bilan de 2024-1

- → Variation du taux de resistance primaire à la Clari : biais ou réalité?
  - > recrutement variable en fonction des laboratoires
  - > part variable de la "clientèle" d'origine étrangère
  - application variable de la stratégie proposé en 2022 lors du remboursement de la PCR
- → Taux >15% pour la clarithromycine et la lévofloxacine
- → Identifier des pays ou des regions à faible % de resistance primaire à la clarithromycine
  - Afrique?
  - La Réunion, Guyanne : faible resistance (proche de 10%)



## Bilan de 2024-2

#### → Forces du réseau

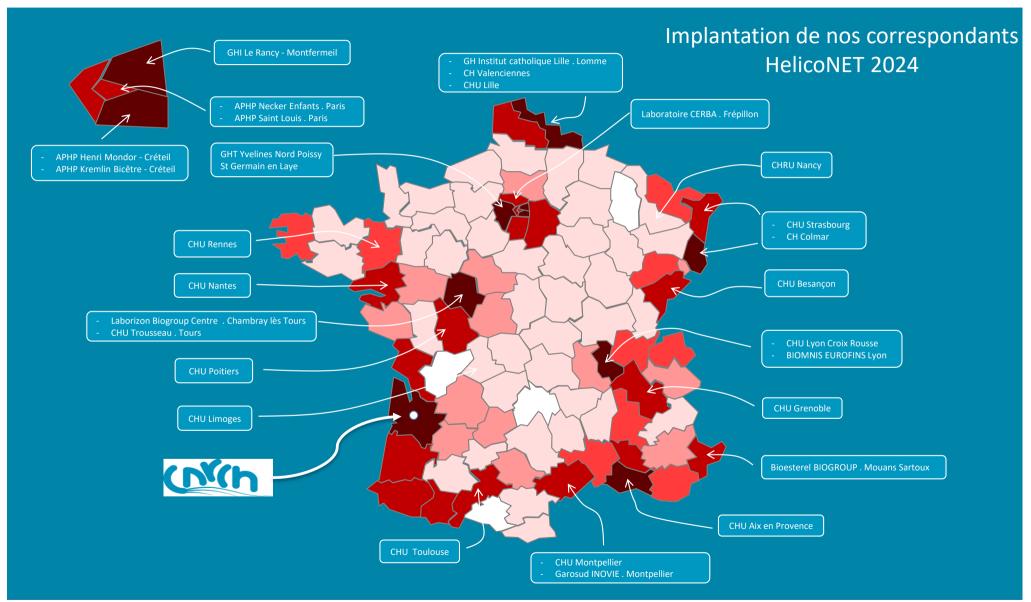
- forte participation des correspondants Helico-net
- majorité de données avec renseignements cliniques
- > excellents résultats : fusion possible avec les données 2024 du CNR

#### → Faiblesses

- continuer à recruter de nouveaux participants
- > motiver la mise en place la PCR dans certains centres
- insister pour contrôler les phénotypes rares



# Un grand merci à tous les laboratoires actifs en 2024











mediacrossing: